

第 65回 NMR 討論会(2026)

The 65th Annual Meeting of the Nuclear Magnetic Resonance Society of Japan (2026)

会期: 2026 年 10 月 21 日(水)~10 月 23 日(金)

October 21(Wed)~October 23(Fri), 2026

会場: タワーホール船堀

Tower Hall Funabori

〒134-0091 東京都江戸川区船堀 4-1-1

第1日目 10 月 21日(水) / Day 1 (Oct. 21, Wed)

8:30~9:30 ポスター貼付【会場: 4F リハーサル室・3F 307】

9:30~17:00 展示会【会場: 5F ロビー】

9:30~9:40 開会のあいさつ 伊藤 隆 (日本核磁気共鳴学会 会長)

Opening Remarks by Prof. Yutaka Ito

(President, The Nuclear Magnetic Resonance Society of Japan)

一般講演 1【会場: 5F 大ホール】

9:40~11:00 座長: 池谷 鉄兵、今井 駿輔

9:40~9:56

O1-1 主鎖 NMR データ, RDC, CCR を用いた天然構造に近い AI 生成タンパク質構造モデルの選択

畑中 優李花¹、元田 容子¹、鈴木 陽菜梨¹、小沼 剛¹、松永 智子²、入江 樂¹、酒井 隆一³、及川 雅人¹、○池上 貴久¹

¹横浜市立大学 理学部、²函館工業高等専門学校 物質環境工学科、³北海道大学大学院 水産科学研究院

9:56~10:12

O1-2 重水素同位体シフトを用いたイソペプチド結合形成を担うリシン残基の脱プロトン化状態の NMR 解析

○武田 光広、高橋 直史、阪本 知樹、青山 洋史、三島 正規
東京薬科大学 薬学部

10:12~10:28

O1-3 EF-hand モチーフを用いたカルシウム結合で構造変化するタンパク質の人工設計

○藤原 萌^{1,2}、宮ノ入 洋平^{2,3}、巽 理恵²、古賀 信康^{2,3}

¹大阪大学 大学院理学研究科、²大阪大学 蛋白質研究所、³ExCELLS, NINS

10:28~10:44

O1-4 NMR と X 線結晶解析の相補的活用による亜鉛依存性 DNA 酵素の立体構造解析

○山崎 和彦¹、猪股 梨華²、山崎 智子¹、久保田 智巳¹、宮下 尚之³、宮岸 真²、竹内 恒⁴

¹産業技術総合研究所 モレキュラーバイオシステム研究部門、²産業技術総合研究所 健康医工学研究部、³近畿大学 生物理工学部、⁴東京大学大学院 薬学系研究科

10:44~11:00

O1-5 同軸管 qNMR によるリンゴ酸末電離体濃度の定量と味覚センサー酸味応答の解析

○小倉 立己¹、菅原 哲也²

¹慶應義塾大学 先端生命科学研究所、²山形県工業技術センター 庄内試験場

11:00~11:10 休憩/Break Time

11:10~12:10 **2026 年度日本核磁気共鳴学会総会** / General Meeting of the NMR Society of Japan
【会場: 5F 大ホール】

12:10~13:30 昼食/Lunch

13:30~15:00 **ポスターセッション I** (奇数番号 Pnn & PnnY, 若手ポスター賞審査)
Poster Session I (odd numbers, poster presentation for Young Scientists Poster Awards)
【会場: 4F リハーサル室・3F 307 会議室】

一般講演 2 【5F 大ホール】

15:05~16:25 座長: 川村 出、松木 陽

15:05~15:21

O1-06 Solid-state NMR (SSNMR) Analysis Reveals Cross-Seeding Landscape Initiated from Amyloid- β (A β) Fibrils and Recent Progress in SSNMR with Ultra-High Field and Ultra-Fast MAS

Isamu Matsuda¹, Mohammad Jafar Tehrani¹, Kee Li Bing¹, Yoshinori Yanagisawa²,
Piao Renzhong², Toshio Yamazaki², Yuki Endo³, Takahiro Nemoto³, Kenichi Hachitani³,
Tatsuya Matsunaga¹, ○Yoshitaka Ishii¹

¹ School of Life Science and Technology, Institute of Science Tokyo, Japan、²RIKEN, IMS Japan、³JEOL Ltd, Japan

15:21~15:37

O1-07 ペプチド界面活性剤を利用した構造安定バイセルの設計

○内田 紀之、高木 優一郎、村岡 貴博

東京農工大学 大学院工学系研究科

15:37~15:53

O1-08 多核多次元 NMR を用いたギ酸による木材の常温溶解および高強度フィルム形成の機構解析

○近藤 敬子^{1,2,3,4}、小林 直子^{4,5}、鈴木 昭浩^{4,5}、滝川 大貴^{1,2}、岩井 真優^{1,2}、永田 崇^{1,2,3,4}、渡辺 隆司^{4,5,6}、
片平 正人^{1,2,3,4}

1 京都大学 エネルギー理工学研究所、2 京都大学 エネルギー科学研究科、3 京都大学 カーボンネガティブ・エネルギー研究センター、4 京都大学 バイオマスプロダクトツリー産学共同研究部門、5 京都大学 生存圏研究所、6 京都大学 成長戦略本部

15:53~16:09

O1-09 Hyper-CEST 差スペクトル(HCSS)法によるポリイミド Kapton からの非常に幅広い ¹²⁹Xe 信号の観察とナノ空洞解析

○藤原 英明^{1,2}、服部 峰之³、木村 敦臣¹

¹大阪大学 大学院医学系研究科、²MR メドケム研究所合同会社、³産総研 計量標準総合センター

16:09~16:25

O1-10 全く未知の粉末結晶の構造解析法

西山 裕介

日本電子株式会社

16:25~16:40 休憩/Break Time

一般講演3【会場: 5F 大ホール】

16:40~18:00 座長: 三島 正規、児島 長次郎

16:40~16:56

O1-11 低存在かつ高活性な Cryptic 構造の機能的意義の解明

竹内 恒

東京大学 大学院薬学系研究科 生命物理化学教室

16:56~17:12

O1-12 血漿タンパク質フォン・ヴィレブランド因子の力学応答による止血機構の原子レベル解析

○森本 大智^{1,2}、Erik Walinda³、白川 昌宏⁴、菅瀬 謙治⁵

¹ 京都大学 白眉センター、² 京都大学 大学院理学研究科、³ 京都大学 大学院医学研究科、⁴ 京都大学 大学院工学研究科、⁵ 京都大学 大学院農学研究科

17:12~17:28

O1-13 重水素化医薬品開発を指向した、リアルタイム NMR による肝ミクロソーム薬物代謝反応の速度論解析

○上田 卓見、Ruishen Ding、Ka Mun Chung、白石 勇太郎、吉田 卓也、城 智憲、松浦 圭佑、荒井 雅吉、辻野 博文、澤間 善成

大阪大学 大学院薬学研究科

17:28~17:44

O1-14 メチル選択標識 NMR が可視化する IgG1 Fc 領域メチオニン酸化の立体化学的・構造的多様性

○矢木 真穂^{1,2,3}、谷中 冴子^{2,3,4}、橋井 則貴⁵、富田 晃平¹、三澤 隆史⁵、出水 庸介⁵、石井 明子⁵、加藤 晃一^{1,2,3}

¹ 名古屋市立大学 大学院薬学研究科、² 自然科学研究機構 生命創成探究センター、³ 自然科学研究機構 分子科学研究所、⁴ 東京科学大学 生命理工学院、⁵ 国立医薬品食品衛生研究所

17:44~18:00

O1-15 高圧 NMR: 生命多様性とダイナミズムの分子原点を明かす

赤坂 一之

けいはんな文化学術協会

18:15~20:00 日本核磁気共鳴学会 評議員会・理事会

Council, Executive Committee of the NMR Society of Japan

【会場: 3F 301 会議室】

第2日目 10月22日(木)／ Day 2 (Oct. 22, Thu)

Session 4 (English) [venue: 5F Main Hall]

9:00～9:32 Chairperson: Tomohide Saio

9:00～9:16

O2-01 NMR investigation of the molecular basis of selective RNA recognition and liquid-liquid phase separation mediated by the intrinsically disordered region of DDX3X

○Yuki Toyama^{1,2}, Shinichiro Inakami², Masaharu Takarada², Kohki Okabe², Koh Takeuchi², Ichio Shimada^{1,3}

¹RIKEN Center for Integrative Medical Sciences (IMS), ² Graduate School of Pharmaceutical Sciences, The University of Tokyo, ³ Graduate School of Integrated Sciences for Life, Hiroshima University

9:16～9:32

O2-02 Motor-driven high-sensitivity Rheo-NMR spectroscopy: Design and application to shear-induced phase transitions

Akihiko Yamamoto¹, Yusuke Shuto¹, Daichi Morimoto², Ulrich Scheler³, Ayako Furukawa¹, Masatomo So¹,
○Kenji Sugase¹

¹Division of Applied Life Sciences, Graduate School of Agriculture, Kyoto University, ² Department of Molecular Engineering, Graduate School of Engineering, Kyoto University, ³ Leibniz-Institut für Polymerforschung Dresden e.V.

9:32～9:35 Break Time

Invited Lecture [venue: 5F Main Hall]

9:35～10:10 Chairperson: Yusuke Nishiyama

2IL01 Enhancing solid-state NMR sensitivity by exhausting ¹H polarization

Rongchun Zhang^{1,2,3}

¹South China Advanced Institute for Soft Matter Science and Technology (AISMST), School of Emergent Soft Matter, South China University of Technology, ²Guangdong Provincial Key Laboratory of Functional and Intelligent Hybrid Materials and Devices, South China University of Technology, ³ State Key Laboratory of Luminescent Materials and Devices, South China University of Technology

10:10～10:25 Break Time

Invited Lectures [venue: 5F Main Hall]

10:25～11:00 Chairperson: Noritaka Nishida

2IL02 Using NMR spectroscopy to see phase separated biomolecular condensates with atomic resolution

Nicolas L. Fawzi

Department of Molecular Biology, Cell Biology, and Biochemistry, Brown University

11:00~11:35 Chairperson: Masanori Osawa

2IL03 NMR in Cancer Biology and Drug Discovery for RAS

Mitsuhiko Ikura

Princess Margaret Cancer Centre, University Health Network and Department of Medical Biophysics,
University of Toronto

11:35~13:00 昼食／Lunch

13:00~14:20

Masatsune Kainosho Memorial Session(甲斐庄正恒先生追悼セッション)【venue: 5F Main Hall】

13:00~14:20 Organizers: Ichio Shimada, Mitsuhiko Ikura, Yutaka Ito, Masanori Osawa

MS01 “Sailing by”

Yutaka Ito

Tokyo Metropolitan Univ., President of the NMR Society of Japan

MS02 My personal tribute to Kai

Mitsuhiko Ikura

Princess Margaret Cancer Centre, University Health Network and Department of Medical Biophysics,
University of Toronto

MS03 Structure and dynamics of proteins containing both disordered and structured domains

Peter E. Wright

Department of Integrative Structural and Computational Biology, The Scripps Research Institute

MS04 A Personal Remembrance of Masatsune Kainosho

John L Markley

Professor Emeritus, Biochemistry Department, University of Wisconsin-Madison

MS05 Recollections of My Scientific and Personal Interactions with Kainosho Sensei

Hideo Akutsu

Professor Emeritus of Osaka University, Guest Professor of Yokohama City University

14:20~14:35 Break Time

14:35~14:45 Progress Award Ceremony and Award Lectures 【venue: 5F Main Hall】

14:45~15:35 Chairperson: Kazuyuki Takeda

2AL1 Structural Dynamics of Biomolecules Utilizing High Field NMR

Shunsuke Imai

RIKEN Center for Integrative Medical Sciences

2AL2 Development of Solution NMR Methods for Studying the Structure and Dynamics of Biomolecules

Kyoko Furuita

Institute for Chemical Research, Kyoto University

15:35~15:50 Break Time

15:50~16:00

名誉会員推戴式 / Honorary Membership Conferment Ceremony【venue: 5F Main Hall】

嶋田 一夫 / Ichio Shimada

東京大学名誉教授 理化学研究所名誉研究員

Professor Emeritus of the University of Tokyo, RIKEN Honorary Scientist

16:00~16:45

名誉会員推戴記念講演 / Commemorative Lecture【venue: 5F Main Hall】

座長 / Chairperson: 阿久津秀雄 / Hideo Akutsu

2CL NMR による膜タンパク質の機能解明 / Function-related Dynamics of Membrane Proteins

嶋田 一夫 / Ichio Shimada

東京大学名誉教授 理化学研究所名誉研究員

Professor Emeritus of the University of Tokyo, RIKEN Honorary Scientist

18:30~20:30 **懇親会 / Banquet**【会場 / Venue: 東武ホテルレバント東京 / Tobu Hotel Levant Tokyo】

〒130-0013 東京都墨田区錦糸1丁目2-2

1-2-2 Kinshi, Sumida-ku, Tokyo 130-0013, Japan

※ 各自、電車等でご移動ください。

Please travel to the venue individually by train or other means.

都営新宿線「船堀駅」→「住吉駅」にて半蔵門線に乘換→「錦糸町駅」(約 14~20 分)

Toei Shinjuku Line: Funabori Station → Sumiyoshi Station; transfer to the Hanzomon Line → Kinshicho Station (approximately 14-20 minutes).

第3日目 10月23日(金)／ Day 3 (Oct. 23, Fri)

一般講演 5【会場: 5F 大ホール】

9:00～9:48 座長: 西山 裕介

9:00～9:16

O3-01 ^{95}Mo , ^{45}Sc 固体 NMR でわかるペロブスカイト型高プロトン伝導体の酸素空孔とプロトンの所在

○丹所 正孝¹、後藤 敦¹、大木 忍¹、最上 祐貴¹、飯島 隆広²、齊藤 馨³、梅田 健成³、前田 凌³、八島 正知^{3,4}

¹物質・材料研究機構(NIMS)、²山形大学 学術研究院、³東京科学大学 理学院、⁴九州大学 カーボンニュートラル・エネルギー国際研究所

9:16～9:32

O3-02 DNP-MAS NMR を用いた MOF 結晶表面の観測

○栗原 拓也¹、Henric Mezzomo¹、永島 裕樹²、阿南 静佳³、水野 元博^{1,4,5}

¹金沢大学 大学院自然科学研究科、²産業技術総合研究所 触媒化学研究部門、³豊田工業大学 工学部先端工学基礎学科、⁴金沢大学 ナノマテリアル研究所、⁵金沢大学 新学術創成研究機構

9:32～9:48

O3-03 Ni-MOF-74 本来のオルト-パラ水素変換効率の評価

○野田 泰斗、淵辺 小次郎、向吉 恵、武田 和行

京都大学 大学院理学研究科

9:48～10:00 休憩／Break Time

10:00～11:30 ポスターセッション II (偶数番号 Pnn)

Poster Session II (even numbers)

【会場: 4F リハーサル室・3F 307 会議室】

11:30～13:00 昼食／Lunch

12:00～13:00 ポスター撤去

功労者推戴式・記念講演【会場: 5F 大ホール】

13:00～14:20

13:05～13:40

3CL1 機能性核酸の構造・ダイナミクス・相互作用と機能

片平 正人^{1,2,3,4}

¹京都大学 エネルギー理工学研究所、²京都大学 エネルギー科学研究科、³京都大学 カーボンネガティブ・エネルギー研究センター、⁴京都大学 バイオマスプロダクトツリー産学共同研究部門、

13:45~14:20

3CL2 安定同位体利用 NMR の黎明期から完成期の中で

楯 真一^{1,2,3}

¹広島大学 WPI-SKCM²、²明治大学 先端数理科学インスティテュート (MIMS)、³横浜市立大学 大学院生命医科学研究科

一般講演 6 【会場: 5F 大ホール】

14:35~15:23 座長: 佐藤 一

14:35~14:51

O3-04 定常磁場勾配 NMR を用いた電池セル各部位の拡散係数のその場測定を試み

○村上 美和¹、下田 景士²、武田 和行³

¹京都大学 成長戦略本部、²立命館大学 立命館グローバル・イノベーション研究機構、³京都大学 理学研究科化学専攻

14:51~15:07

O3-05 溶液ゲル NMR によるコアラの消化性に関わるユーカリ葉細胞壁構造の解析

金井 典子

横浜国立大学 大学院環境情報研究院

15:07~15:23

O3-06 溶媒を対象とする定量¹H NMR 法による非水溶液中のイオンペア生成挙動解析

○牧 秀志、三松 星河、高 瑛徹

神戸大学 大学院工学研究科

15:23~15:40 閉会の挨拶 大澤 匡範 (第 65 回 NMR 討論会(2026) 世話人)

ポスター発表 / Poster presentation

会場 / Venue : 4F リハーサル室・3F 307/ Rehearsal Room at 4F and Meeting Room307 at 3F

発表日 / Obligation for Presentation:

奇数番号(odd number xx, Pxx, PxxY)

2026/10/21(Wed), 13:30~15:00

(PxxY: Young Poster Award's Entry, 若手ポスター賞エントリー)

偶数番号(even number yy, Pyy)2026/10/23 (Fri), 10:00~11:30

ポスター貼付 / Poster mounting: 10/21 (Wed), 8:30~9:30

ポスター撤去 / Poster removal: 10/23 (Fri), 12:00~13:00

P01Y 超高分子量蛋白質のNMR測定のための ^2H - ^{13}C スピン系の解析

○岩間 貴之、櫻林 修平、児嶋 長次郎

横浜国立大学 大学院理工学府

P02 断熱パルスを利用した ^1H が直接結合していない ^{13}C 信号の選択観測

○根本 暢明¹、森田 将夫^{2,3}

¹日本電子(株)、²乙卯研究所、³昭和医科大学 薬学部

P03Y NMR 滴定実験に基づく三状態平衡系の定量解析

○蒔苗 秀隆¹、櫻林 修平^{1,3}、宮ノ入 洋平²、堂野 主税³、中谷 和彦³、児嶋 長次郎¹

¹横浜国立大学 大学院理工学府、²大阪大学 蛋白質研究所、³大阪大学 産業科学研究所

P04 グルコース資化性 *Shewanella oneidensis* を用いたヘム蛋白質の均一 $^{13}\text{C}/^{15}\text{N}$ 標識試料調製法の開発

○久田 虎汰¹、田尻 道子¹、小沼 剛¹、阿久津 秀雄¹、川本 晃大²、栗栖 源嗣²、池上 貴久¹

¹ 横浜市立大学 生命医科学研究科、² 大阪大学 蛋白質研究所

P05Y CF_3 標識を用いた高感度 ^{19}F in-cell NMR 法の開発と細胞内タンパク質の動的構造平衡解析への応用

○角野 啓充¹、趙 慶慈¹、小林 航¹、西田 紀貴^{1,2}

¹千葉大学 大学院薬学研究院、² 理化学研究所 生命医科学研究センター

P06 植物細胞における in-cell NMR の確立と応用

○千葉 大輝¹、島 海翔¹、長峰 萌華¹、佐藤 光莉¹、北沢 創一郎¹、猪股 晃介^{1,2,3}、池谷 鉄兵^{1,4}、美川 務^{1,5}、伊藤 隆¹

¹ 東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、² 自然科学研究機構 分子科学研究所、³ 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、⁴ 千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻、⁵ 理化学研究所 生命医科学研究センター

P07 分子クラウディング環境が蛋白質の立体構造に与える影響の解析

○久保 柊人¹、加藤 聖人¹、田岸 亮馬¹、堀川 皓央¹、Sayeesh P.M.¹、猪股 晃介¹、池谷 鉄兵^{1,2}、伊藤 隆¹

¹ 東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、² 千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻

- P08** 哺乳動物細胞内におけるタンパク質拡散の in-cell NMR 解析
○猪股 晃介^{1,2,3}、加藤 晃一^{1,2,3,4}
¹自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、²自然科学研究機構 分子科学研究所
³自然科学研究機構 生命創成探究センター、⁴名古屋市立大学 大学院薬学研究科
- P09** 同位体修飾プローブによる低複雑性ドメイン凝縮の NMR 解析法開発
○服部 良一、齋尾 智英
徳島大学 先端酵素学研究所
- P10** モーター駆動型高感度 Rheo-NMR 装置の最適化
○山本 昭彦、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
京都大学 大学院農学研究科
- P11** Affinity Selection-Mass Spectrometry (AS-MS) による TDP-43 RRM および WNV capsid タンパク質結合化合物の探索
○今村 理世¹、西村 鍊²、橋本 和香²、横川 真梨子²、西田 優理華²、八城 立樹²、寒河江 彪流²、由井 成弥²、榎本 翔太²、小島 宏建¹、大澤 匡範²
¹ 東京大学 大学院薬学系研究科附属 創薬機構、²慶應義塾大学 大学院薬学研究科
- P12** シアノバクテリオクロムにおける脱プロトン化リシンの解析
○高橋 直史¹、石塚 美葵²、武田 光広^{1,2}、阪本 知樹^{1,2}、青山 洋史^{1,2}、三島 正規^{1,2}
¹ 東京薬科大学 大学院薬学研究科、²東京薬科大学 薬学部
- P13Y** ダニ媒介性脳炎ウイルス (TBEV) の E タンパク質に対する aptamer の解析
○石川 隼平¹、篠崎 智弘¹、藤井 祐至^{2,3}、好井 健太郎²、坂本 泰一¹
¹千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻、²長崎大学 高度感染症研究センター ウイルス生態研究分野、³長崎大学 高度感染症研究センター 動物実験管理室
- P14** 人工塩基 Ds を含む aptamer と血管内皮増殖因子 VEGF の相互作用解析
○川野 颯大¹、高橋 廉士¹、小林 直宏²、堀 美幸³、池谷 鉄兵¹、坂本 泰一¹
¹千葉工業大学 生命科学科、²理化学研究所、³タグシクス・バイオ株式会社
- P15Y** グアニン四重鎖 RNA による神経変性疾患関連タンパク質 tau の凝集促進メカニズム
○加藤 利樹¹、陳 伊然¹、矢吹 悌²、塩田 倫史²、朽尾 豪人¹
¹京都大学 大学院理学研究科、²熊本大学 発生医学研究所
- P16** 線維芽細胞増殖因子 FGF5 とそれに結合する aptamer の構造解析および相互作用解析
○岩谷 凌太¹、堀内 正隆²、植草 友也¹、山本 昌邦³、坂本 泰一¹
¹千葉工業大学 生命科学研究科、²北海道医療大学・歯、³(株)アドバンジェン
- P17Y** 膜タンパク質複合体 CD19-CD81 のコレステロール依存的な動的構造変化の NMR 解析
○山本 泰雅、幸福 裕、外山 侑樹、竹内 恒
東京大学 大学院薬学系研究科
- P18** NFAT-Calcineurin 複合体形成と基質提示機構の解明
○原 光太郎、竹内 恒
¹東京大学 大学院薬学系研究科

- P19Y メラノコルチン4型受容体のシグナル制御機構の解明**
○山本 青諒¹、幸福 裕¹、黒柳 ほのか¹、山本 泰雅¹、外山 侑樹¹、上田 卓見²、竹内 恒¹
¹ 東京大学 大学院薬学系研究科、² 大阪大学 大学院薬学研究科
- P20 動的構造解析に基づく GTP 生合成の律速酵素 IMPDH2 の活性制御機構の解明**
○重見 圭汰、竹内 恒
東京大学 大学院薬学系研究科
- P21 リンカーヒストン H1.4 の天然変性領域による球状ドメインの構造ダイナミクス解析**
岩永 菜月、柳 秀憲、村社 美桜、宗 正智、菅瀬 謙治、○古川 亜矢子
京都大学 大学院農学研究科
- P22 NMR と MD 計算で捉える抗体医薬 Fab 内部の構造振動の伝播**
○林 成一郎¹、谷中 冴子^{2,3,4}、矢木 真穂^{2,4,5}、猪股 晃介^{1,2,4}、山口 拓実^{2,4,6}、宮ノ入 洋平^{2,4,7}、加藤 晃一^{1,2,4,5}
¹ 自然科学研究機構 分子科学研究所、² 自然科学研究機構 生命創成探究センター、³ 東京科学大学 総合研究院 フロンティア材料研究所、⁴ 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、⁵ 名古屋市立大学 大学院薬学研究科、⁶ 北陸先端科学技術大学院大学 マテリアルサイエンス系、⁷ 大阪大学 蛋白質研究所
- P23 プロトンポンプ型ロドプシン TR 熱安定化変異体の溶液 NMR 解析**
○齊藤 琉青¹、阿部 優介²、穂谷野 知佳²、廣畑 雅史²、鈴木 里佳²、長島 敏雄³、山崎 俊夫³、村田 武士⁴、小島 慧一⁵、須藤 雄気⁵、高橋 栄夫²
¹ 横浜市立大学 理学部 理学科、² 横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、³ 理化学研究所 生命医科学研究センター、⁴ 千葉大学 大学院理学院、⁵ 岡山大学 学術研究院 医歯薬学域(薬学系)
- P24 SOS1 天然変性領域の GRB2 との多価相互作用と液-液相分離形成機構の溶液 NMR 解析**
○神村 理菜¹、兪 翔也¹、渡辺 真歩¹、林 俊文¹、菅澤 はるか¹、美川 務²、伊藤 隆¹、池谷 鉄兵^{1,3}
¹ 東京都立大学 大学院理学院研究科、² 理化学研究所 生命医科学研究センター、³ 千葉工業大学 先進工学研究科
- P25 高圧力 NMR 法による α -シヌクレイン液液相分離の形成・消失機構の解析**
○北沢 創一郎¹、江崎 晃也²、北原 亮²
¹ 東京都立大学 理学部化学科、² 立命館大学 薬学部薬学科
- P26 NMR による RAS シグナル伝達系蛋白質の構造多型解析**
○鈴木 美咲¹、堀川 皓央¹、安藤 考史¹、館野 桂太¹、伊藤 かおり¹、久保 柊人¹、神村 理菜¹、北沢 創一郎¹、池谷 鉄兵^{1,2}、伊藤 隆¹
¹ 東京都立大学 大学院理学院研究科 化学専攻、² 千葉工業大学 先進工学研究科
- P27Y 希薄溶液中および細胞内環境でのヒト UCHL3 の動的構造解析**
○佐藤 光莉¹、長峰 萌華¹、窪田 滋春¹、宮田 裕貴¹、菅澤 はるか¹、猪股 晃介^{1,2,3}、美川 務^{1,4}、池谷 鉄兵^{1,5}、伊藤 隆¹
¹ 東京都立大学 大学院理学院研究科、² 自然科学研究機構 分子科学研究所、³ 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、⁴ 理化学研究所 生命医科学研究センター、⁵ 千葉工業大学 先進工学研究科

- P28 Ubiquitin C-terminal Hydrolase 3(UCHL3)とそのユビキチン複合体の構造・ダイナミクス解析**
 ○窪田 滋春¹、宮田 裕貴¹、菅澤 はるか¹、伊藤 隆¹、池谷 鉄兵^{1,2}
¹東京都立大学 大学院理学研究科、²千葉工業大学 先進工学部
- P29 YUH1-Ubiquitin 共有結合複合体の動的構造解析**
 ○石塚 麻衣¹、堀川 皓央¹、久保 柊人¹、伊藤 かおり¹、北沢 創一郎¹、池谷 鉄兵^{1,2}、伊藤 隆¹
¹東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、²千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻
- P30 NMR を用いたヒト脱ユビキチン化酵素 UCHL1 の立体構造解析**
 ○赤江 唯里¹、兵永 悠輔¹、北沢 創一郎¹、伊藤 かおり¹、猪股 晃介^{2,3}、美川 務^{1,4}、池谷 鉄兵^{1,5}、伊藤 隆¹
¹ 東京都立大学 大学院理学研究科、² 自然科学研究機構 分子科学研究所、³ 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、⁴ 理化学研究所 生命医科学研究センター、⁵ 千葉工業大学 大学院先進工学研究科
- P31Y 根粒菌マルチドメイン蛋白質 FixJ のリン酸化型構造の解析**
 ○児玉 遼輝¹、間根山 陽斗¹、堀川 皓央¹、菱倉 直樹¹、伊藤 かおり¹、小手石 泰康²、澤井 仁美^{2,3}、城 宣嗣²、北沢 創一郎¹、池谷 鉄兵^{1,4}、伊藤 隆¹
¹東京都立大学 大学院理学研究科、²兵庫県立大学 大学院生命理学研究科、³大阪公立大学 大学院理学研究科、⁴千葉工業大学 大学院先進工学研究科
- P32 緩和分散 NMR 法によるコレラ菌由来電子伝達タンパク質シトクロム c_4 の動的構造解析とその電子伝達活性との相関**
 ○糸井 柊詠¹、久米田 博之²、内田 毅^{1,3}、石森 浩一郎^{1,3}
¹北海道大学 大学院総合化学院、²北海道大学 大学院先端生命科学研究院、³北海道大学 大学院理学研究科
- P33Y CPEB3 RNA 結合ドメインと SUMO の相互作用解析**
 ○池田 優希、齋藤 元伸、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
 京都大学 大学院農学研究科
- P34 NMR による長期記憶形成に関わる CPEB3 天然変性領域全長の構造解析と凝集機構の解明**
 ○李 勇進、齋藤 元伸、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
 京都大学 大学院農学研究科
- P35Y ALS 関連タンパク質 TDP-43 の凝集機構と RRM への RNA 結合による抑制機構の解明**
 ○西村 錬¹、西田 優理華¹、八城 立樹¹、坂上 史佳²、三浦 元輝²、横田 隆徳²、石田 英子¹、横川 真梨子¹、大澤 匡範^{1,2}
¹慶應大・院薬、²科学大・医工研・TIDE セ
- P36 TDP-43 の凝集を抑制する化合物の探索および TDP-43 との相互作用の NMR 解析**
 ○八城 立樹¹、西村 錬¹、榎本 翔太¹、米澤 朋起^{1,2}、西田 優理華¹、横川 真梨子¹、坂上 史佳³、三浦 元輝³、大澤 匡範^{1,3}
¹慶應大・薬、²ライフマティックス (株)、³科学大・医工研・TIDE セ
- P37 システインリッチアレルゲンタンパク質 Pru p 7 の構造解析**
 ○進藤 万実¹、久米田 博之²、花岡 杏実¹、吉川 一步¹、鈴木 愛加¹、池田 暖花³、熊木 康祐²、新井 達也²、相沢 智康²
¹北海道大学 大学院生命科学院、²北海道大学 大学院先端生命科学研究院、³北海道大学 理学部

- P38 翻訳抑制因子 Paip2 による PABPC1-ポリ A 結合阻害の分子機構**
○加藤 菜乃¹、山越 若菜¹、横川 真梨子¹、片岡 奈緒¹、平栗 かおり¹、寒河江 彪流¹、細田 直²、星野 真一²、大澤 匡範¹
¹慶應義塾大学 薬学部、²名古屋市立大学 大学院薬学系研究科
- P39Y Thioflavin-S を用いた ¹H Rheo-NMR によるせん断流下タウ線維形成のリアルタイム追跡**
○清水 創紀¹、Erik Walinda²、森本 大智^{3,4}
¹京都大学 大学院工学研究科、²京都大学 大学院医学研究科、³京都大学 白眉センター、⁴京都大学 大学院理学研究科
- P40 天然変性領域が生み出すエントロピー力が FKBP12 に及ぼす構造学的・生化学的影響**
○古閑 万里渚¹、森本 大智^{1,2}、朽尾 豪人¹
¹京都大学 大学院理学研究科、²京都大学 白眉センター
- P41Y 流体力学的ストレスによるタンパク質変性機構の解析**
○青山 稜¹、Erik Walinda²、森本 大智^{3,4}
¹京都大学 大学院工学研究科、²京都大学 大学院医学研究科、³京都大学 白眉センター、⁴京都大学 大学院理学研究科
- P42 14-3-3ζ のリン酸化モチーフ結合溝を標的とした、FOXO3a テザリング阻害化合物の探索**
○吉田 理紀¹、榎本 翔太¹、米澤 朋起^{1,2}、池田 和由^{1,3}、桑山 知也¹、中塚 将一¹、横川 真梨子¹、齋藤 潤⁴、佐谷 秀行⁴、大澤 匡範¹
¹慶應大・薬、²ライフマティックス(株)、³理研・計算科学研究セ、⁴藤田医大・腫瘍医学研究セ
- P43 BioNMR によるタンパク質-中分子化合物複合体の立体構造決定**
○岩川 直都、奥出 順也、鳥澤 拓也
中外製薬株式会社 研究本部 タンパク質科学研究部
- P44 構造予測ツールによる Aculeine peptide 構造モデルの RDC を用いた評価**
○畑中 優李花¹、元田 容子¹、鈴木 陽菜梨¹、小沼 剛¹、松永 智子³、入江 樂²、酒井 隆一⁴、及川 雅人²、池上 貴久¹
¹横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、²横浜市立大学 大学院生命ナノシステム研究科、³函館工業高等専門学校 物質環境工学科、⁴北海道大学 大学院水産科学研究院
- P45 チタンナノシート磁場配向剤を用いた機能性非コード RNA の残余双極子相互作用測定とステム相対配向の解析**
○大山 貴子、石井 佳誉
東京科学大学 生命理工学院
- P46 J_{HH} , J_{CH} および NOE による天然有機化合物の鎖状構造の立体化学 (その 2)**
○降旗 一夫¹、田代 充²
¹東大院農・応生化、²明星大・理工
- P47 磁化率差を利用した膜内外成分の NMR シグナル分離と DOSY 解析**
○長島 敏雄¹、山崎 俊夫¹、小松原 亜里沙²
¹理化学研究所 生命医科学研究センター、²日東電工株式会社
- P48 SNIF-NMR による焼酎エタノールの水素安定同位体比に及ぼす原材料、麹化および仕込み水の影響**
小椋 賢治
石川県立大学 生物資源環境学部 食品科学科

- P49 950 MHz および 500 MHz NMR を用いたコーヒーの産地分類および官能特性予測における磁場強度の影響**
○坂倉 正義¹、中山 未菜¹、練木 絵実華¹、岡村 瑚太郎¹、村上 優貴¹、栗田 順一¹、久米田 博之²、阿部 潤³、相沢 智康³、小林 雄祐^{4,5}、村松 靖己⁶、松野 秀実⁶、平井 誠一郎⁶、寺山 慧¹
¹横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、²北海道大学 先端生命科学研究院、³北海道大学 大学院先端生命科学研究院、⁴横浜市立大学 YCU 共創イノベーションセンター、⁵横浜市立大学 附属病院 次世代臨床研究センター、⁶南蛮屋株式会社
- P50 卓上 ¹H NMR と機械学習を用いたヒト母乳中フコシル化ヒトミルクオリゴ糖の定量**
Zhiyan Hu¹、Jiaxi Jiang¹、○阿部 潤¹、Thanawat Thumrongtaradol¹、赤坂 美穂¹、大西 裕季¹、長田 誠司²、新井 達也¹、久米田 博之¹、熊木 康裕¹、山内 一夫³、清水 由宇⁴、横井 友樹⁴、中村 公則⁴、綾部 時芳⁵、中村 幸志⁶、木村 尚史⁷、玉腰 暁子⁸、相沢 智康¹
¹北海道大学 大学院生命科学院 蛋白質科学研究室、²中山商事株式会社、³新潟大学 研究統括機構、⁴北海道大学 大学院生命科学院 自然免疫研究室、⁵北海道大学 産学・地域協働推進機構、⁶琉球大学 医学研究科 公衆衛生学・疫学講座、⁷国立環境研究所 環境リスク・健康領域 環境疫学研究室、⁸北海道大学 大学院 医学研究院 公衆衛生学教室
- P51Y NMR メタボロミクスを用いたクワの倍数性や部位の違いによる代謝産物や有用成分への影響の探索**
○赤坂 美穂¹、阿部 潤¹、大塚 京平¹、熊木 康裕²、久米田 博之³、伊東 昌章⁴、新井 達也¹、相沢 智康¹
¹北海道大学 大学院生命科学院、²北海道大学 大学院理学研究院、³北海道大学 大学院先端生命科学研究院、⁴国立高等専門学校機構 沖縄工業高等専門学校
- P52 光誘起 CIDNP によるホスト-ゲスト反応場の動的評価**
○津江 大雅¹、西村 亘生¹、楊井 伸浩^{1,2}
¹東京大学 大学院理学系研究科、²JST CREST
- P53Y ¹³C NMR による PEG 鎖長の組み合わせが異なるビスフェノール A エトキシレートジアクリレート異性体の定量**
○脇田 日佳梨¹、松原 康史²
¹三菱ケミカル株式会社 分析物性第1グループ(山梨)、²三菱ケミカル株式会社 分析物性第1グループ(三重)
- P54 イミダゾールを層間に挿入した α -リン酸ジルコニウムのプロトン伝導性と分子運動解析**
○土田 優希¹、栗原 拓也¹、雨森 翔悟^{1,2}、井田 朋智¹、水野 元博^{1,2}
¹金沢大学 大学院自然科学研究科、²金沢大学 ナノマテリアル研究所
- P55Y カリウムイオン電池黒鉛負極の ³⁹K NMR 初観測とカリウム吸蔵状態の解析**
○安東 映香¹、大木 忍¹、最上 祐貴¹、後藤 和馬²、端 健二郎¹
¹物質・材料研究機構、²北陸先端科学技術大学院大学
- P56 静的磁場勾配下での NMR 横緩和からみたポリジメチルシロキサンにおけるラトリング運動**
○河端 夏輝^{1,2}、浅川 直紀¹
¹群馬大学大学院 理工学府 物質・環境類、²日本製鉄(株)技術開発本部
- P57Y 静的固体 ²H-NMR を用いた Zn 骨格内の階層的な水クラスターにみられた特異な融解現象のダイナミクス解明**
○沼上 優太¹、並木 智哉¹、小林 文也¹、栗原 拓也¹、水野 元博^{2,3}、田所 誠¹
¹東京理科大学 理学部第一部 化学科、²金沢大学 大学院自然科学研究科、³金沢大学 ナノマテリアル研究所

- P58** マイルドな条件で形成する人工 CO₂ハイドレートの固体 NMR 解析
○並木 智哉¹、小林 文也¹、栗原 拓也²、水野 元博^{2,3}、田所 誠¹
¹東京理科大学 理学部第一部 化学科、²金沢大学 大学院自然科学研究科、³金沢大学 ナノマテリアル研究所
- P59Y** Satellite-transition driven ³⁵Cl→¹H cross-polarization under fast MAS
○Ekta Nehra¹, Vipin Agarwal², Yusuke Nishiyama¹
¹ Solution planning center, JEOL Ltd., ² Department of Chemistry, Tata Institute of Fundamental Research Hyderabad
- P60** 固体 NMR を用いた共有結合性有機骨格(COF)中の特徴的な静的・動的構造の解析
○神原 孝之¹、王 晓晗²、北野 智己²、村上 陽一²
¹東京科学大学 リサーチインフラ・マネジメント機構、²東京科学大学 総合研究院 ゼロカーボンエネルギー研究所
- P61Y** 側鎖選択的重水素化試料を用いたタンパク質高次構造解析手法の開発
○佐藤 大青、松永 達弥、重光 佳基、石井 佳誉
東京科学大学 生命理工学院 生命理工学系
- P62** 固体 NMR を用いた脂質二重膜中におけるヘリオロドプシンの 局所環境および構造ダイナミクスの解析
○佐松 優希¹、熊谷 咲里¹、長島 敏雄²、山崎 俊夫²、片山 耕大^{3,4}、神取 秀樹^{3,4}、川村 出¹
¹横浜国立大学 大学院理工学府、²理化学研究所、³名古屋工業大学、⁴名工大オプトバイオテクノロジー研究センター
- P63Y** 固体 NMR による光駆動型 Na⁺ポンプロドプシン KR2 の細胞外イオン結合サイトへのイオン結合変化と影響の解析
○山田 春輝¹、金子 莉奈¹、重田 安里寿¹、入江 実月¹、長島 敏雄²、山崎 俊夫²、井上 圭一^{3,4}、神取 秀樹^{5,6}、川村 出¹
¹横浜国立大学 大学院理工学府、²理化学研究所 生命医科学研究センター、³東京大学 新領域創成科学研究科 物質系専攻、⁴東京大学 物性研究所、⁵名古屋工業大学、⁶名工大オプトバイオテクノロジー研究センター
- P64** 固体 NMR 解析に向けた β2 アドレナリン受容体の無細胞合成とナノディスク再構成
○杉下 友晃¹、藤原 敏道¹、松木 陽^{1,2}
¹大阪大学 蛋白質研究所、²大阪大学 量子情報・量子生命研究センター
- P65Y** 超高速 MAS160 kHz による完全プロトン化 7 回膜貫通タンパク質の高分解能 ¹H 検出固体 NMR 測定
○中嶋 悠人¹、金澤 匠¹、Grohe Kristof²、Wegner Sebastian²、木村 英昭³、井上 圭一^{4,5}、川村 出¹
¹横浜国立大学 大学院理工学府、²ブルカーバイオスピン、³ブルカー・ジャパン、⁴東京大学 新領域創成科学研究科 物質系専攻、⁵東京大学 物性研究所
- P66** 両親媒性自己組織化ペプチドの固体 NMR 構造解析
朝倉 哲郎¹、矢口 敦也^{1,2}、○内藤 晶^{1,3}、Terry Gullion⁴、村岡 貴博¹
¹東京農工大学 大学院工学研究科、²横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、³横浜国立大学 大学院工学研究院、⁴ウエストバージニア大学 化学科
- P67Y** 高分解能固体 NMR を用いたゼオライト鋳型炭素の局所構造解析
○中本 丈滋¹、松永 達弥¹、Madi Arsakay^{2,3}、宗 月都⁴、Lodney S. Roff^{2,3}、石井 佳誉¹
¹東京科学大学 生命理工学院、²蔚山科学技術院(UNIST) 化学科、³基礎科学研究院(IFS) Center for Multidimensional Carbon Materials(CMCM)、⁴東京工業大学 生命理工学院

- P68 固体 NMR によるポリプロピレンの疲労損傷進展に伴う非晶相構造および分子運動性変化の解析**
○中山 超、榊原 圭太
国立研究開発法人産業技術総合研究所 機能化学研究部門
- P69Y 固体 NMR を用いたシルクフィブロインフィルムの構造および分子運動性の評価**
○山田 美空¹、西村 文宏²、浅野 敦志³、鈴木 悠⁴
¹福井大学 工学部 技術部、²福井大学 カーボンニュートラル推進本部、³防衛大学校 応用化学科、⁴福井大学 学術研究院工学系部門 生物応用化学講座
- P70 溶媒量による MOF 構造異性体の選択的合成**
○梶岡 ミカ、武田 和行、野田 泰斗
京都大学 大学院理学研究科
- P71Y 常磁性金属を固溶した MOF におけるドメイン形成度の評価**
○Henric Mezzomo¹、栗原 拓也¹、雨森 翔悟^{1,2}、井田 朋智¹、水野 元博^{1,2}
¹金沢大学 大学院自然科学研究科、²金沢大学 ナノマテリアル研究所
- P72 高速磁場サイクリング NMR 緩和法によるトリフルオロメタンスルホン酸水和物の自己拡散係数測定**
山口 真
一般社団法人 FC-Cubic
- P73Y 磁気配向微結晶の MAS による化学シフトテンソルの配向決定**
○田坪 歩輝、上出 友哉、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻
- P74 Molecular Dynamics – Based Calculation of ¹³C Chemical Shift Anisotropy Patterns for CO₂ Dynamics in Metal-Organic Framework Pores**
○Liam Medlin, Yukihiko Ikigame, Koichi Nakamura, Munehiro Inukai
Graduate School of Technology, Industrial and Social Sciences, Tokushima University
- P75Y MAS 下における章動系断熱消磁のメカニズムの解明**
○青柳 佑、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻
- P76 パルス強磁場を用いた NMR 測定～基底一重項磁性体 CsFeCl₃ の ¹³³Cs NMR**
○藤井 裕¹、井原 慶彦²、鳴海 康雄³、萩原 政幸³、木田 孝則³、金道 浩一⁴、松尾 晶⁴、栗田 伸之⁵、田中 秀数⁶
¹福井大学 遠赤外領域開発研究センター、²北海道大学 大学院理学研究院、³大阪大学 大学院理学研究科 附属先端強磁場科学研究センター、⁴東京大学 物性研究所、⁵東京科学大学 理学院、⁶東京科学大学 アントレプレナーシップ教育機構
- P77 マジック角コイルスピニング用共振回路のプリントエレクトロニクス技術による低コスト作製**
○小野木 良将¹、石川 裕也¹、泉 小波²、鈴木 悠³、藤井 裕¹
¹福井大学 遠赤外領域開発研究センター、²産業技術総合研究所 人間社会拡張研究部門、³福井大学 工学研究科
- P78 ¹⁹F-DQ/SQ NMR を用いた強誘電性液晶における相秩序の観測**
○出田 圭子¹、西山 裕介²、松本 寛 裕之¹、菊池 裕嗣³、奥村 泰志¹
¹九州大学 先端物質化学研究所、²日本電子(株)、³九大 GT センター

- P79 トリプレット DNP による高結晶性ピコリンアミド試料の高偏極化**
○東 孝憲¹、香川 晃徳^{1,2}、岩崎 栄次¹、板橋 悠汰¹、犬飼 宗弘³、根来 誠^{1,2,4}
¹大阪大学 量子情報・量子生命研究センター、²大阪大学 ヒューマン・メタバース疾患研究拠点、³徳島大学
大学院社会産業理工学研究部、⁴量子科学技術研究開発機構 量子生命科学研究所
- P80 固体 DNP-NMR を用いる加硫ゴム中の酸化的劣化部位の定量分析**
○田中 真司¹、堀江 美記²、北浦 健大²
¹産総研 材料・化学領域 化学プロセス研究部門、²住友ゴム工業株式会社 研究開発本部 先進技術・イノベ
ーション研究センター
- P81 NMR 検層による地層の亀裂開口量の原位置計測**
○中島 善人、井川 怜欧
産業技術総合研究所 地圏資源環境研究部門
- P82 気体収着に因るガラス転移の変化の TD-NMR 法による観察**
○吉水 広明
名古屋工業大学 大学院工学専攻 ソフトマテリアルプログラム
- P83 章動系 Jeener-Broekaert シーケンスによる双極子秩序の生成**
○鈴木 康平、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻
- P84 資源循環研究における時系列メタ情報を付した NMR-DX 基盤の構築**
○佐南谷 瑞¹、菊地 淳^{1,2,3}
¹理化学研究所 環境資源科学研究センター、²横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、³名古屋大学 大学
院生命農学研究科