第 65回 NMR 討論会(2026)

The 65th Annual Meeting of the Nuclear Magnetic Resonance Society of Japan (2026)

会期: 2026 年 10 月 21 日(水)～10 月 23 日(金)

October 21(Wed)～October 23(Fri), 2026

会場: タワーホール船堀

Tower Hall Funabori

〒134-0091 東京都江戸川区船堀 4-1-1

第1日目 10 月 21日(水)／ Day 1 (Oct. 21, Wed)

8:30～9:30　ポスター貼付【会場: 4F リハーサル室・3F 307】
9:30～17:00　展示会【会場: 5F ロビー】
9:30～9:40　開会のあいさつ　伊藤 隆 (日本核磁気共鳴学会 会長)
Opening Remarks by Prof. Yutaka Ito
(President, The Nuclear Magnetic Resonance Society of Japan)

一般講演 1【会場: 5F 大ホール】
9:40～11:00　座長: 池谷 鉄兵、今井 駿輔

9:40～9:56
O1-1　主鎖 NMR データ, RDC, CCR を用いた天然構造に近い AI 生成タンパク質構造モデルの選択
畑中 優李花[1]、元田 容子[1]、鈴木 陽茉梨[1]、小沼 剛[1]、松永 智子[2]、入江 樂[1]、酒井 隆一[3]、及川 雅人[1]、○池上 貴久[1]
[1]横浜市立大学 理学部、[2]函館工業高等専門学校 物質環境工学科、[3]北海道大学大学院 水産科学研究院

9:56～10:12
O1-2　重水素同位体シフトを用いたイソペプチド結合形成を担うリシン残基の脱プロトン化状態の NMR 解析
○武田 光広、高橋 直史、阪本 知樹、青山 洋史、三島 正規
東京薬科大学 薬学部

10:12～10:28
O1-3　EF-hand モチーフを用いたカルシウム結合で構造変化するタンパク質の人工設計
○藤原 萌[1,2]、宮ノ入 洋平[2,3]、巽 理恵[2]、古賀 信康[2,3]
[1]大阪大学 大学院理学研究科、[2]大阪大学 蛋白質研究所、[3] ExCELLS, NINS

10:28～10:44
O1-4　NMR と X 線結晶解析の相補的活用による亜鉛依存性 DNA 酵素の立体構造解析
○山崎 和彦[1]、猪股 梨華[2]、山崎 智子[1]、久保田 智巳[1]、宮下 尚之[3]、宮岸 真[2]、竹内 恒[4]
[1] 産業技術総合研究所 モレキュラーバイオシステム研究部門、[2] 産業技術総合研究所 健康医工学研究部、[3] 近畿大学 生物理工学部、[4]東京大学大学院 薬学系研究科

10:44～11:00

O1-5　同軸管 qNMR によるリンゴ酸未電離体濃度の定量と味覚センサー酸味応答の解析

○小倉 立己[1]、菅原 哲也[2]
[1]慶應義塾大学 先端生命科学研究所、[2]山形県工業技術センター 庄内試験場

11:00～11:10　休憩／Break Time

11:10～12:10　**2026 年度日本核磁気共鳴学会総会**／General Meeting of the NMR Society of Japan
【会場:　5F 大ホール】

12:10～13:30　昼食／Lunch

13:30～15:00　**ポスターセッション I**（奇数番号 Pnn & PnnY，若手ポスター賞審査）
Poster Session I (odd numbers, poster presentation for Young Scientists Poster Awards)
【会場:　4F リハーサル室・3F 307 会議室】

一般講演 2【5F 大ホール】
15:05～16:25　座長: 川村 出、松木 陽

15:05～15:21

O1-06　Solid-state NMR (SSNMR) Analysis Reveals Cross-Seeding Landscape Initiated from Amyloid-β (Aβ) Fibrils and Recent Progress in SSNMR with Ultra-High Field and Ultra-Fast MAS

Isamu Matsuda[1], Mohammad Jafar Tehrani[1], Kee Li Bing[1], Yoshinori Yanagisawa[2], Piao Renzhong[2], Toshio Yamazaki[2], Yuki Endo[3], Takahiro Nemoto[3], Kenichi Hachitani[3], Tatsuya Matsunaga[1], ○Yoshitaka Ishii[1]
[1] School of Life Science and Technology, Institute of Science Tokyo, Japan、[2]RIKEN, IMS Japan 、[3]JEOL Ltd, Japan

15:21～15:37

O1-07　ペプチド界面活性剤を利用した構造安定バイセルの設計

○内田 紀之、高木 優一郎、村岡 貴博
東京農工大学 大学院工学系研究科

15:37～15:53

O1-08　多核多次元 NMR を用いたギ酸による木材の常温溶解および高強度フィルム形成の機構解析

○近藤 敬子[1,2,3,4]、小林 直子[4,5]、鈴木 昭浩[4,5]、滝川 大貴[1,2]、岩井 真優[1,2]、,永田 崇[1,2,3,4]、渡辺 隆司[4,5,6]、片平　正人[1,2,3,4]
1 京都大学 エネルギー理工学研究所、2 京都大学 エネルギー科学研究科、3 京都大学 カーボンネガティブ・エネルギー研究センター、4 京都大学 バイオマスプロダクトツリー産学共同研究部門、5 京都大学 生存圏研究所、6 京都大学 成長戦略本部

15:53～16:09

O1-09　Hyper-CEST 差スペクトル(HCSS)法によるポリイミド Kapton からの非常に幅広い ^{129}Xe 信号の観察とナノ空洞解析

○藤原 英明[1,2]、服部 峰之[3]、木村 敦臣[1]
[1]大阪大学 大学院医学系研究科、[2] MR メドケム研究所合同会社、[3] 産総研 計量標準総合センター

16:09～16:25

O1-10　全く未知の粉末結晶の構造解析法

西山 裕介

日本電子株式会社

16:25～16:40　休憩／Break Time

一般講演 3【会場:　5F 大ホール】

16:40～18:00　座長: 三島 正規、児島 長次郎

16:40～16:56

O1-11　低存在かつ高活性な Cryptic 構造の機能的意義の解明

竹内 恒

東京大学 大学院薬学系研究科 生命物理化学教室

16:56～17:12

O1-12　血漿タンパク質フォン・ヴィレブランド因子の力学応答による止血機構の原子レベル解析

○森本 大智[1,2]、Erik Walinda[3]、白川 昌宏[4]、菅瀬 謙治[5]

[1] 京都大学 白眉センター、[2] 京都大学 大学院理学研究科、[3] 京都大学 大学院医学研究科、[4] 京都大学 大学院工学研究科、[5] 京都大学 大学院農学研究科

17:12～17:28

O1-13　重水素化医薬品開発を指向した、リアルタイム NMR による肝ミクロソーム薬物代謝反応の速度論解析

○上田 卓見、Ruishen Ding、Ka Mun Chung、白石 勇太郎、吉田 卓也、城 智憲、松浦 圭佑、荒井 雅吉、辻野 博文、澤間 善成

大阪大学 大学院薬学研究科

17:28～17:44

O1-14　メチル選択標識 NMR が可視化する IgG1 Fc 領域メチオニン酸化の立体化学的・構造的多様性

○矢木 真穂[1,2,3]、谷中 冴子[2,3,4]、橋井 則貴[5]、冨田 晃平[1]、三澤 隆史[5]、出水 庸介[5]、石井 明子[5]、加藤 晃一[1,2,3]

[1] 名古屋市立大学 大学院薬学研究科、[2] 自然科学研究機構 生命創成探究センター、[3] 自然科学研究機構 分子科学研究所、[4] 東京科学大学 生命理工学院、[5] 国立医薬品食品衛生研究所

17:44～18:00

O1-15　高圧 NMR: 生命多様性とダイナミズムの分子原点を明かす

赤坂 一之

けいはんな文化学術協会

18:15～20:00　**日本核磁気共鳴学会 評議員会・理事会**

Council, Executive Committee of the NMR Society of Japan

【会場:　3F 301 会議室】

第2日目 10 月22日(木)／ Day 2 (Oct. 22, Thu)

Session 4 (English)【venue: 5F Main Hall】
9:00～9:32 Chairperson: Tomohide Saio

9:00～9:16

O2-01 NMR investigation of the molecular basis of selective RNA recognition and liquid-liquid phase separation mediated by the intrinsically disordered region of DDX3X

○Yuki Toyama[1,2], Shinichiro Inakami[2], Masaharu Takarada[2], Kohki Okabe[2], Koh Takeuchi[2], Ichio Shimada[1,3]

[1]RIKEN Center for Integrative Medical Sciences (IMS), [2] Graduate School of Pharmaceutical Sciences, The University of Tokyo, [3] Graduate School of Integrated Sciences for Life, Hiroshima University

9:16～9:32

O2-02 Motor-driven high-sensitivity Rheo-NMR spectroscopy: Design and application to shear-induced phase transitions

Akihiko Yamamoto[1], Yusuke Shuto[1], Daichi Morimoto[2], Ulrich Scheler[3], Ayako Furukawa[1], Masatomo So[1], ○Kenji Sugase[1]

[1]Division of Applied Life Sciences, Graduate School of Agriculture, Kyoto University, [2] Department of Molecular Engineering, Graduate School of Engineering, Kyoto University, [3] Leibniz-Institut für Polymerforschung Dresden e.V.

9:32～9:35 Break Time

Invited Lecture 【venue: 5F Main Hall】
9:35～10:10 Chairperson: Yusuke Nishiyama

2IL01 Enhancing solid-state NMR sensitivity by exhausting 1H polarization

Rongchun Zhang[1,2,3]

[1]South China Advanced Institute for Soft Matter Science and Technology (AISMST), School of Emergent Soft Matter, South China University of Technology, [2]Guangdong Provincial Key Laboratory of Functional and Intelligent Hybrid Materials and Devices, South China University of Technology, [3] State Key Laboratory of Luminescent Materials and Devices, South China University of Technology

10:10～10:25 Break Time

Invited Lectures 【venue: 5F Main Hall】
10:25～11:00 Chairperson: Noritaka Nishida

2IL02 Using NMR spectroscopy to see phase separated biomolecular condensates with atomic resolution

Nicolas L. Fawzi

Department of Molecular Biology, Cell Biology, and Biochemistry, Brown University

11:00～11:35　Chairperson: Masanori Osawa

2IL03　**NMR in Cancer Biology and Drug Discovery for RAS**

Mitsuhiko Ikura
Princess Margaret Cancer Centre, University Health Network and Department of Medical Biophysics, University of Toronto

11:35～13:00　昼食／Lunch

13:00～14:20
Masatsune Kainosho Memorial Session(甲斐荘正恒先生追悼セッション)【venue: 5F Main Hall】
13:00～14:20　Organizers: Ichio Shimada, Mitsuhiko Ikura, Yutaka Ito, Masanori Osawa

MS01　**"Sailing by"**

Yutaka Ito
Tokyo Metropolitan Univ., President of the NMR Society of Japan

MS02　**My personal tribute to Kai**

Mitsuhiko Ikura
Princess Margaret Cancer Centre, University Health Network and Department of Medical Biophysics, University of Toronto

MS03　**Structure and dynamics of proteins containing both disordered and structured domains**

Peter E. Wright
Department of Integrative Structural and Computational Biology, The Scripps Research Institute

MS04　**A Personal Remembrance of Masatsune Kainosho**

John L Markley
Professor Emeritus, Biochemistry Department, University of Wisconsin-Madison

MS05　**Recollections of My Scientific and Personal Interactions with Kainosho Sensei**

Hideo Akutsu
Professor Emeritus of Osaka University, Guest Professor of Yokohama City University

14:20～14:35　Break Time

14:35～14:45　Progress Award Ceremony and Award Lectures【venue: 5F Main Hall】

14:45～15:35　Chairperson: Kazuyuki Takeda

2AL1　**Structural Dynamics of Biomolecules Utilizing High Field NMR**
Shunsuke Imai
RIKEN Center for Integrative Medical Sciences

2AL2　**Development of Solution NMR Methods for Studying the Structure and Dynamics of Biomolecules**
Kyoko Furuita
Institute for Chemical Research, Kyoto University

15:35～15:50　Break Time

特別講演 / Special Lecture【venue: 5F Main Hall】
15:50～16:35　座長 / Chairperson: 阿久津秀雄 / Hideo Akutsu

2SL　**NMR による膜タンパク質の機能解明 / Function-related Dynamics of Membrane Proteins**
嶋田 一夫 / Ichio Shimada
東京大学名誉教授 理化学研究所名誉研究員
Professor Emeritus of the University of Tokyo, RIKEN Honorary Scientist

18:30～20:30　**懇親会 / Banquet**【会場 / Venue：東武ホテルレバント東京 / Tobu Hotel Levant Tokyo】
〒130-0013 東京都墨田区錦糸1丁目2−2
1-2-2 Kinshi, Sumida-ku, Tokyo 130-0013, Japan

※ 各自、電車等でご移動ください。
Please travel to the venue individually by train or other means.

都営新宿線「船堀駅」→「住吉駅」にて半蔵門線に乗換→「錦糸町駅」(約 14～20 分)
Toei Shinjuku Line: Funabori Station → Sumiyoshi Station; transfer to the Hanzomon Line → Kinshicho Station (approximately 14–20 minutes).

第3日目 10 月 23 日(金)／ Day 3 (Oct. 23, Fri)

一般講演 5【会場: 5F 大ホール】
9:00～9:48　座長: 西山 裕介

9:00～9:16
O3-01 ^{95}Mo, ^{45}Sc 固体 NMR でわかるペロブスカイト型高プロトン伝導体の酸素空孔とプロトンの所在
○丹所 正孝[1]、後藤 敦[1]、大木 忍[1]、最上 祐貴[1]、飯島 隆広[2]、齊藤 馨[3]、梅田 健成[3]、前田 凌[3]、八島 正知[3,4]
[1]物質・材料研究機構(NIMS)、[2]山形大学 学術研究院、[3] 東京科学大学 理学院、[4]九州大学 カーボンニュートラル・エネルギー国際研究所

9:16～9:32
O3-02 DNP-MAS NMR を用いた MOF 結晶表面の観測
○栗原 拓也[1]、Henric Mezzomo[1]、永島 裕樹[2]、阿南 静佳[3]、水野 元博[1,4,5]
[1] 金沢大学 大学院自然科学研究科、[2] 産業技術総合研究所 触媒化学研究部門、[3] 豊田工業大学 工学部先端工学基礎学科、[4] 金沢大学 ナノマテリアル研究所、[5] 金沢大学 新学術創成研究機構

9:32～9:48
O3-03 Ni-MOF-74 本来のオルト−パラ水素変換効率の評価
○野田 泰斗、渕辺 小次郎、向吉 恵、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科

9:48～10:00　休憩／Break Time

10:00～11:30　**ポスターセッション Ⅱ (偶数番号 Pnn)**
Poster Session Ⅱ (even numbers)
【会場: 4F リハーサル室・3F 307 会議室】

11:30～13:00　昼食／Lunch

12:00～13:00　ポスター撤去

功労者推戴式・記念講演【会場: 5F 大ホール】
13:00～14:20

13:05～13:40
3CL1 機能性核酸の構造・ダイナミクス・相互作用と機能
片平 正人[1,2,3,4]
[1]京都大学 エネルギー理工学研究所、[2]京都大学 エネルギー科学研究科、[3]京都大学 カーボンネガティブ・エネルギー研究センター、[4]京都大学 バイオマスプロダクトツリー産学共同研究部門、

13:45～14:20

3CL2　安定同位体利用 NMR の黎明期から完成期の中で

楯 眞一[1,2,3]

[1]広島大学 WPI-SKCM[2]、[2]明治大学 先端数理科学インスティテュート（MIMS）、[3]横浜市立大学 大学院生命医科学研究科

一般講演 6【会場: 5F 大ホール】

14:35～15:23　座長: 佐藤 一

14:35～14:51

O3-04　定常磁場勾配 NMR を用いた電池セル各部位の拡散係数のその場測定の試み

〇村上 美和[1]、下田 景士[2]、武田 和行[3]

[1] 京都大学 成長戦略本部、[2] 立命館大学 立命館グローバル・イノベーション研究機構、[3]京都大学 理学研究科化学専攻

14:51～15:07

O3-05　溶液ゲル NMR によるコアラの消化性に関わるユーカリ葉細胞壁構造の解析

金井 典子

横浜国立大学 大学院環境情報研究院

15:07～15:23

O3-06　溶媒を対象とする定量^{1}H NMR 法による非水溶液中のイオンペア生成挙動解析

〇牧 秀志、三松 星河、高 瑛徹

神戸大学 大学院工学研究科

15:23～15:40　閉会の挨拶　　大澤 匡範（第 65 回 NMR 討論会（2026）世話人）

ポスター発表 ／ Poster presentation

会場 / Venue：4F リハーサル室・3F 307/ Rehearsal Room at 4F and Meeting Room307 at 3F

発表日 / Obligation for Presentation：

奇数番号(odd number xx, Pxx, PxxY)

2026/10/21(Wed), 13:30～15:00

(PxxY: Young Poster Award's Entry, 若手ポスター賞エントリー)

偶数番号(even number yy, Pyy)2026/10/23 (Fri), 10:00～11:30

ポスター貼付 / Poster mounting: 10/21 (Wed), 8:30～9:30

ポスター撤去 / Poster removal: 10/23 (Fri), 12:00～13:00

P01Y　超高分子量蛋白質の NMR 測定のための^{2}H–^{13}C スピン系の解析
○岩間 貴之、櫻林 修平、児嶋 長次郎
横浜国立大学 大学院理工学府

P02　断熱パルスを利用した ^{1}H が直接結合していない ^{13}C 信号の選択観測
○根本 暢明[1]、森田 將夫[2,3]
[1]日本電子(株)、[2]乙卯研究所、[3]昭和医科大学 薬学部

P03Y　NMR 滴定実験に基づく三状態平衡系の定量解析
○蒔苗 秀隆[1]、櫻林 修平[1,3]、宮ノ入 洋平[2]、堂野 主税[3]、中谷 和彦[3]、児嶋 長次郎[1]
[1]横浜国立大学 大学院理工学府、[2]大阪大学 蛋白質研究所、[3]大阪大学 産業科学研究所

P04　グルコース資化性 *Shewanella oneidensis* を用いたヘム蛋白質の均一 ^{13}C/^{15}N 標識試料調製法の開発
○久田 虎汰[1]、田尻 道子[1]、小沼 剛[1]、阿久津 秀雄[1]、川本 晃大[2]、栗栖 源嗣[2]、池上 貴久[1]
[1] 横浜市立大学 生命医科学研究科、[2] 大阪大学 蛋白質研究所

P05Y　CF_3 標識を用いた高感度 ^{19}F in-cell NMR 法の開発と細胞内タンパク質の動的構造平衡解析への応用
○角野 啓充[1]、趙 慶慈[1]、小林 航[1]、西田 紀貴[1,2]
[1]千葉大学 大学院薬学研究院、[2] 理化学研究所 生命医科学研究センター

P06　植物細胞における in-cell NMR の確立と応用
○千葉 大輝[1]、島 海翔[1]、長峰 萌華[1]、佐藤 光莉[1]、北沢 創一郎[1]、猪股 晃介[1,2,3]、池谷 鉄兵[1,4]、美川 務[1,5]、伊藤 隆[1]
[1] 東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、[2] 自然科学研究機構 分子科学研究所、[3] 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、[4]千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻、[5]理化学研究所 生命医科学研究センター

P07　分子クラウディング環境が蛋白質の立体構造に与える影響の解析
○久保 柊人[1]、加藤 聖人[1]、田岸 亮馬[1]、堀川 皓央[1]、Sayeesh P.M.[1]、猪股 晃介[1]、池谷 鉄兵[1,2]、伊藤 隆[1]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、[2]千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻

P08 哺乳動物細胞内におけるタンパク質拡散の in-cell NMR 解析

○猪股 晃介[1,2,3]、加藤 晃一[1,2,3,4]
[1]自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、[2]自然科学研究機構 分子科学研究所
[3]自然科学研究機構 生命創成探究センター、[4]名古屋市立大学 大学院薬学研究科

P09 同位体修飾プローブによる低複雑性ドメイン凝縮の NMR 解析法開発

○服部 良一、齋尾 智英
徳島大学 先端酵素学研究所

P10 モーター駆動型高感度 Rheo-NMR 装置の最適化

○山本 昭彦、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
京都大学 大学院農学研究科

P11 Affinity Selection-Mass Spectrometry（AS-MS）による TDP-43 RRM および WNV capsid タンパク質結合化合物の探索

○今村 理世[1]、西村 錬[2]、橋本 和香[2]、横川 真梨子[2]、西田 優理華[2]、八城 立樹[2]、寒河江 彪流[2]、由井 成弥[2]、榎本 翔太[2]、小島 宏建[1]、大澤 匡範[2]
[1]東京大学 大学院薬学系研究科附属 創薬機構、[2]慶應義塾大学 大学院薬学研究科

P12 シアノバクテリオクロムにおける脱プロトン化リシンの解析

○髙橋 直史[1]、石塚 美葵[2]、武田 光広[1,2]、阪本 知樹[1,2]、青山 洋史[1,2]、三島 正規[1,2]
[1]東京薬科大学 大学院薬学研究科、[2]東京薬科大学 薬学部

P13Y ダニ媒介性脳炎ウイルス（TBEV）の E タンパク質に対する aptamer の解析

○石川 隼平[1]、篠崎 智弘[1]、藤井 祐至[2,3]、好井 健太朗[2]，坂本 泰一[1]
[1]千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻、[2]長崎大学 高度感染症研究センター ウイルス生態研究分野、[3]長崎大学 高度感染症研究センター 動物実験管理室

P14 人工塩基 Ds を含む aptamer と血管内皮増殖因子 VEGF の相互作用解析

○川野 颯大[1]、高橋 廉士[1]、小林 直宏[2]、堀 美幸[3]、池谷 鉄兵[1]、坂本 泰一[1]
[1]千葉工業大学 生命科学科、[2]理化学研究所、[3]タグシクス・バイオ株式会社

P15Y グアニン四重鎖 RNA による神経変性疾患関連タンパク質 tau の凝集促進メカニズム

○加藤 利樹[1]、陳 伊然[1]、矢吹 悌[2]、塩田 倫史[2]、杤尾 豪人[1]
[1]京都大学 大学院理学研究科、[2]熊本大学 発生医学研究所

P16 線維芽細胞増殖因子 FGF5 とそれに結合する aptamer の構造解析および相互作用解析

○岩谷 凌太[1]、堀内 正隆[2]、植草 友也[1]、山本 昌邦[3]、坂本 泰一[1]
[1]千葉工業大学 生命科学研究科、[2]北海道医療大学・歯、[3]（株）アドバンジェン

P17Y 膜タンパク質複合体 CD19-CD81 のコレステロール依存的な動的構造変化の NMR 解析

○山本 泰雅、幸福 裕、外山 侑樹、竹内 恒
東京大学 大学院薬学系研究科

P18 NFAT-Calcineurin 複合体形成と基質提示機構の解明

○原 光太朗、竹内 恒
[1]東京大学 大学院薬学系研究科

P19Y　メラノコルチン4型受容体のシグナル制御機構の解明

○山本 青諒[1]、幸福 裕[1]、黒柳 ほのか[1]、山本 泰雅[1]、外山 侑樹[1]、上田 卓見[2],、竹内 恒[1]
[1] 東京大学 大学院薬学系研究科、[2] 大阪大学 大学院薬学研究科

P20　動的構造解析に基づく GTP 生合成の律速酵素 IMPDH2 の活性制御機構の解明

○重見 圭汰、竹内 恒
東京大学 大学院薬学系研究科

P21　リンカーヒストン H1.4 の天然変性領域による球状ドメインの構造ダイナミクス解析

岩永 菜月、柳 秀憲、村社 美桜、宗 正智、菅瀬 謙治、○古川 亜矢子
京都大学 大学院農学研究科

P22　NMR と MD 計算で捉える抗体医薬 Fab 内部の構造揺動の伝播

○林 成一郎[1]、谷中 冴子[2,3,4]、矢木 真穂[2,4,5]、猪股 晃介[1,2,4]、山口 拓実[2,4,6]、宮ノ入 洋平[2,4,7]、加藤 晃一[1,2,4,5]

[1] 自然科学研究機構 分子科学研究所、[2] 自然科学研究機構 生命創成探究センター、[3] 東京科学大学 総合研究院 フロンティア材料研究所、[4] 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、[5] 名古屋市立大学 大学院薬学研究科、[6] 北陸先端科学技術大学院大学 マテリアルサイエンス系、[7] 大阪大学 蛋白質研究所

P23　プロトンポンプ型ロドプシン TR 熱安定化変異体の溶液 NMR 解析

○齊藤 琉青[1]、阿部 優介[2]、穂谷野 知佳[2]、廣畑 雅史[2]、鈴木 里佳[2]、長島 敏雄[3]、山崎 俊夫[3]、村田 武士[4]、小島 慧一[5]、須藤 雄気[5]、高橋 栄夫[2]
[1]横浜市立大学 理学部 理学科、[2]横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、[3]理化学研究所 生命医科学研究センター、[4] 千葉大学 大学院理学研究院、[5] 岡山大学 学術研究院 医歯薬学域(薬学系)

P24　SOS1 天然変性領域の GRB2 との多価相互作用と液-液相分離形成機構の溶液 NMR 解析

○神村 理菜[1]、兪 翔也[1]、渡辺 真歩[1]、林 俊文[1]、菅澤 はるか[1]、美川 務[2]、伊藤 隆[1]、池谷 鉄兵[1,3]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科、[2]理化学研究所 生命医科学研究センター、[3]千葉工業大学 先進工学研究科

P25　高圧力 NMR 法による α-シヌクレイン液液相分離の形成・消失機構の解析

○北沢 創一郎[1]、江崎 晃也[2]、北原 亮[2]
[1]東京都立大学 理学部化学科、[2]立命館大学 薬学部薬学科

P26　NMR による RAS シグナル伝達系蛋白質の構造多型解析

○鈴木 美咲[1]、堀川 皓央[1]、安藤 考史[1]、館野 桂太[1]、伊藤 かおり[1]、久保 柊人[1]、神村 理菜[1]、北沢 創一郎[1]、池谷 鉄兵[1,2]、伊藤 隆[1]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、[2]千葉工業大学 先進工学研究科

P27Y　希薄溶液中および細胞内環境でのヒト UCHL3 の動的構造解析

○佐藤 光莉[1]、長峰 萌華[1]、窪田 滋春[1]、宮田 裕貴[1]、菅澤 はるか[1]、猪股 晃介[1,2,3]、美川 務[1,4]、池谷 鉄兵[1,5]、伊藤 隆[1]
[1] 東京都立大学 大学院理学研究科、[2] 自然科学研究機構 分子科学研究所、[3] 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、[4] 理化学研究所 生命医科学研究センター、[5] 千葉工業大学 先進工学研究科

P28　Ubiquitin C-terminal Hydrolase 3(UCHL3)とそのユビキチン複合体の構造・ダイナミクス解析

○窪田 滋春[1]、宮田 裕貴[1]、菅澤 はるか[1]、伊藤 隆[1]、池谷 鉄兵[1,2]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科、[2]千葉工業大学 先進工学部

P29　YUH1-Ubiquitin 共有結合複合体の動的構造解析

○石塚 麻衣[1]、堀川 皓央[1]、久保 柊人[1]、伊藤 かおり[1]、北沢 創一郎[1]、池谷 鉄兵[1,2]、伊藤 隆[1]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科 化学専攻、[2]千葉工業大学 大学院先進工学研究科 生命科学専攻

P30　NMR を用いたヒト脱ユビキチン化酵素 UCHL1 の立体構造解析

○赤江 唯里[1]、兵永 悠輔[1]、北沢 創一郎[1]、伊藤 かおり[1]、猪股 晃介[2,3]、美川 務[1,4]、池谷 鉄兵[1,5]、伊藤 隆[1]
[1] 東京都立大学 大学院理学研究科、[2] 自然科学研究機構 分子科学研究所、[3] 自然科学研究機構 岡崎連携プラットフォーム スピン生命科学コア、[4] 理化学研究所 生命医科学研究センター、[5] 千葉工業大学 大学院先進工学研究科

P31Y　根粒菌マルチドメイン蛋白質 FixJ のリン酸化型構造の解析

○児玉 遼暉[1]、間根山 陽斗[1]、堀川 皓央[1]、菱倉 直樹[1]、伊藤 かおり[1]、小手石 泰康[2]、澤井 仁美[2,3]、城 宣嗣[2]、北沢 創一郎[1]、池谷 鉄兵[1,4]、伊藤 隆[1]
[1]東京都立大学 大学院理学研究科、[2]兵庫県立大学 大学院生命理学研究科、[3]大阪公立大学 大学院理学研究科、[4]千葉工業大学 大学院先進工学研究科

P32　緩和分散 NMR 法によるコレラ菌由来電子伝達タンパク質シトクロム c_4 の動的構造解析とその電子伝達活性との相関

○糸井 柊詠[1]、久米田 博之[2]、内田 毅[1,3]、石森 浩一郎[1,3]
[1]北海道大学 大学院総合化学院、[2] 北海道大学 大学院先端生命科学研究院、[3]北海道大学 大学院理学研究院

P33Y　CPEB3 RNA 結合ドメインと SUMO の相互作用解析

○池田 優希、齋藤 元伸、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
京都大学 大学院農学研究科

P34　NMR による長期記憶形成に関わる CPEB3 天然変性領域全長の構造解析と凝集機構の解明

○李 勇進、齋藤 元伸、宗 正智、古川 亜矢子、菅瀬 謙治
京都大学 大学院農学研究科

P35Y　ALS 関連タンパク質 TDP-43 の凝集機構と RRM への RNA 結合による抑制機構の解明

○西村 錬[1]、西田 優理華[1]、八城 立樹[1]、坂上 史佳[2]、三浦 元輝[2]、横田 隆徳[2]、石田 英子[1]、横川 真梨子[1]、大澤 匡範[1,2]
[1]慶應大・院薬、[2]科学大・医工研・TIDE セ

P36　TDP-43 の凝集を抑制する化合物の探索および TDP-43 との相互作用の NMR 解析

○八城 立樹[1]、西村 錬[1]、榎本 翔太[1]、米澤 朋起[1,2]、西田 優理華[1]、横川 真梨子[1]、坂上 史佳[3]、三浦 元輝[3]、大澤 匡範[1,3]
[1] 慶應大・薬、[2] ライフマティックス（株）、[3]科学大・医工研・TIDE セ

P37　システインリッチアレルゲンタンパク質 Pru p 7 の構造解析

○進藤 万実[1]、久米田 博之[2]、花岡 杏実[1]、吉川 一歩[1]、鈴木 愛加[1]、池田 暖花[3]、熊木 康祐[2]、新井 達也[2]、相沢 智康[2]
[1] 北海道大学 大学院生命科学院、[2] 北海道大学 大学院先端生命科学研究院、[3]北海道大学 理学部

P38　翻訳抑制因子 Paip2 による PABPC1–ポリ A 結合阻害の分子機構

○加藤 菜乃[1]、山越 若菜[1]、横川 真梨子[1]、片岡 奈緒[1]、平栗 かおり[1]、寒河江 彪流[1]、細田 直[2]、星野 真一[2]、大澤 匡範[1]
[1]慶應義塾大学 薬学部 、[2]名古屋市立大学 大学院薬学系研究科

P39Y　Thioflavin-S を用いた^{1}H Rheo-NMR によるせん断流下タウ線維形成のリアルタイム追跡

○清水 創紀[1]、Erik Walinda[2]、森本 大智[3,4]
[1]京都大学 大学院工学研究科、[2]京都大学 大学院医学研究科、[3]京都大学 白眉センター、[4] 京都大学 大学院理学研究科

P40　天然変性領域が生み出すエントロピー力が FKBP12 に及ぼす構造学的・生化学的影響

○古閑 万里渚[1]、森本 大智[1,2]、杤尾 豪人[1]
[1]京都大学 大学院理学研究科、[2]京都大学 白眉センター

P41Y　流体力学的ストレスによるタンパク質変性機構の解析

○青山 稜[1]、Erik Walinda[2]、森本 大智[3,4]
[1]京都大学 大学院工学研究科、[2] 京都大学 大学院医学研究科、[3]京都大学 白眉センター、[4] 京都大学 大学院理学研究科

P42　14-3-3ζ のリン酸化モチーフ結合溝を標的とした、FOXO3a テザリング阻害化合物の探索

○吉田 理紀[1]、榎本 翔太[1]、米澤 朋起[1,2]、池田 和由[1,3]、桑山 知也[1]、中塚 将一[1]、横川 真梨子[1]、齋藤 潤[4]、佐谷 秀行[4]、大澤 匡範[1]
[1]慶應大・薬、[2]ライフマティックス(株)、[3]理研・計算科学研究セ、[4]藤田医大・腫瘍医学研究セ

P43　BioNMR によるタンパク質-中分子化合物複合体の立体構造決定

○岩川 直都、奥出 順也、鳥澤 拓也
中外製薬株式会社 研究本部 タンパク質科学研究部

P44　構造予測ツールによる Aculeine peptide 構造モデルの RDC を用いた評価

○畑中 優李花[1]、元田 容子[1]、鈴木 陽茉梨[1]、小沼 剛[1]、松永 智子[3]、入江 樂[2]、酒井 隆一[4]、及川 雅人[2]、池上 貴久[1]
[1] 横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、[2] 横浜市立大学 大学院生命ナノシステム研究科、[3] 函館工業高等専門学校 物質環境工学科、[4] 北海道大学 大学院水産科学研究院

P45　チタンナノシート磁場配向剤を用いた機能性非コード RNA の残余双極子相互作用測定とステム相対配向の解析

○大山 貴子、石井 佳誉
東京科学大学 生命理工学院

P46　J_{HH}, J_{CH} および NOE による天然有機化合物の鎖状構造の立体化学（その 2）

○降旗 一夫[1]、田代 充[2]
[1]東大院農・応生化、[2] 明星大・理工

P47　磁化率差を利用した膜内外成分の NMR シグナル分離と DOSY 解析

○長島 敏雄[1]、山崎 俊夫[1]、小松原 亜里沙[2]
[1]理化学研究所 生命医科学研究センター、[2]日東電工株式会社

P48　SNIF-NMR による焼酎エタノールの水素安定同位体比に及ぼす原材料、麹化および仕込み水の影響

小椋 賢治
石川県立大学 生物資源環境学部 食品科学科

P49　950 MHz および 500 MHz NMR を用いたコーヒーの産地分類および官能特性予測における磁場強度の影響

○坂倉 正義[1]、中山 未菜[1]、練木 絵実華[1]、岡村 瑚太郎[1]、村上 優貴[1]、栗田 順一[1]、久米田 博之[2]、阿部 潤[3]、相沢 智康[3]、小林 雄祐[4,5]、村松 靖己[6]、松野 秀実[6]、平井 誠一郎[6]、寺山 慧[1]
[1]横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、[2]北海道大学 先端生命科学研究院、[3]北海道大学 大学院先端生命科学研究院、[4]横浜市立大学 YCU 共創イノベーションセンター、[5]横浜市立大学 附属病院 次世代臨床研究センター、[6]南蛮屋株式会社

P50　卓上 ^{1}H NMR と機械学習を用いたヒト母乳中フコシル化ヒトミルクオリゴ糖の定量

Zhiyan Hu[1]、Jiaxi Jiang[1]、○阿部 潤[1]、Thanawat Thumrongtaradol[1]、赤坂 美穂[1]、大西 裕季[1]、長田 誠司[2]、新井 達也[1]、久米田 博之[1]、熊木 康裕[1]、山内 一夫[3]、清水 由宇[4]、横井 友樹[4]、中村 公則[4]、綾部 時芳[5]、中村 幸志[6]、木村 尚史[7]、玉腰 暁子[8]、相沢 智康[1]
[1]北海道大学 大学院生命科学院 蛋白質科学研究室、[2]中山商事株式会社、[3]新潟大学 研究統括機構、[4]北海道大学 大学院生命科学院 自然免疫研究室、[5]北海道大学 産学・地域協働推進機構 、[6]琉球大学 医学研究科 公衆衛生学・疫学講座、[7]国立環境研究所 環境リスク・健康領域 環境疫学研究室、[8]北海道大学 大学院医学研究院 公衆衛生学教室

P51Y　NMR メタボロミクスを用いたクワの倍数性や部位の違いによる代謝産物や有用成分への影響の探索

○赤坂 美穂[1]、阿部 潤[1]、大塚 京平[1]、熊木 康裕[2]、久米田 博之[3]、伊東 昌章[4]、新井 達也[1]、相沢 智康[1]
[1]北海道大学 大学院生命科学院、[2]北海道大学 大学院理学研究院、[3]北海道大学 大学院先端生命科学研究院、[4]国立高等専門学校機構 沖縄工業高等専門学校

P52　光誘起 CIDNP によるホスト–ゲスト反応場の動的評価

○津江 大雅[1]、西村 亘生[1]、楊井 伸浩[1,2]
[1] 東京大学 大学院理学系研究科、[2] JST CREST

P53Y　^{13}C NMR による PEG 鎖長の組み合わせが異なるビスフェノール A エトキシレートジアクリレート異性体の定量

○脇田 日佳梨[1]、松原 康史[2]
[1]三菱ケミカル株式会社 分析物性第1グループ(山東)、[2]三菱ケミカル株式会社 分析物性第1グループ(三重)

P54　イミダゾールを層間に挿入したα-リン酸ジルコニウムのプロトン伝導性と分子運動解析

○土田 優希[1]、栗原 拓也[1]、雨森 翔悟[1,2]、井田 朋智[1]、水野 元博[1,2]
[1]金沢大学 大学院自然科学研究科、[2]金沢大学 ナノマテリアル研究所

P55Y　カリウムイオン電池黒鉛負極の ^{39}K NMR 初観測とカリウム吸蔵状態の解析

○安東 映香[1]、大木 忍[1]、最上 祐貴[1]、後藤 和馬[2]、端 健二郎[1]
[1]物質・材料研究機構、[2]北陸先端科学技術大学院大学

P56　静的磁場勾配下での NMR 横緩和からみたポリジメチルシロキサンにおけるラトリング運動

○河端 夏輝[1,2]、浅川 直紀[1]
[1]群馬大学大学院 理工学府 物質・環境類、[2]日本製鉄(株)技術開発本部

P57Y　静的固体 ^{2}H-NMR を用いた Zn 骨格内の階層的な水クラスターにみられた特異な融解現象のダイナミクス解明

○沼上 優太[1]、並木 智哉[1]、小林 文也[1]、栗原 拓也[1]、水野 元博[2,3]、田所 誠[1]
[1] 東京理科大学 理学部第一部 化学科、[2] 金沢大学 大学院自然科学研究科、[3]金沢大学 ナノマテリアル研究所

P58　マイルドな条件で形成する人工 CO_2 ハイドレートの固体 NMR 解析

○並木 智哉[1]、小林 文也[1]、栗原 拓也[2]、水野 元博[2,3]、田所 誠[1]
[1]東京理科大学 理学部第一部 化学科、[2] 金沢大学 大学院自然科学研究科、[3] 金沢大学　ナノマテリアル研究所

P59Y　Satellite-transition driven $^{35}Cl \rightarrow {}^{1}H$ cross-polarization under fast MAS

○Ekta Nehra[1], Vipin Agarwal[2], Yusuke Nishiyama[1]
[1] Solution planning center, JEOL Ltd., [2] Department of Chemistry, Tata Institute of Fundamental Research Hyderabad

P60　固体 NMR を用いた共有結合性有機骨格（COF）中の特徴的な静的・動的構造の解析

○神原 孝之[1]、王 暁晗[2]、北野 智己[2]、村上 陽一[2]
[1]東京科学大学 リサーチインフラ・マネジメント機構、[2] 東京科学大学 総合研究院 ゼロカーボンエネルギー研究所

P61Y　側鎖選択的重水素化試料を用いたタンパク質高次構造解析手法の開発

○佐藤 大青、松永 達弥、重光 佳基、石井 佳誉
東京科学大学 生命理工学院 生命理工学系

P62　固体 NMR を用いた脂質二重膜中におけるヘリオロドプシンの　局所環境および構造ダイナミクスの解析

○佐松 優希[1]、熊谷 咲里[1]、長島 敏雄[2]、山崎 俊夫[2]、片山 耕大[3,4]、神取 秀樹[3,4]、川村 出[1]
[1]横浜国立大学 大学院理工学府、[2]理化学研究所、[3]名古屋工業大学 、[4]名工大オプトバイオテクロノロジー研究センター

P63Y　固体 NMR による光駆動型 Na^{+} ポンプロドプシン KR2 の細胞外イオン結合サイトへのイオン結合変化と影響の解析

○山田 春輝[1]、金子 莉奈[1]、重田 安里寿[1]、入江 実月[1]、長島 敏雄[2]、山崎 俊夫[2]、井上 圭一[3,4]、神取 秀樹[5,6]、川村 出[1]
[1] 横浜国立大学 大学院理工学府、[2] 理化学研究所 生命医科学研究センター、[3]東京大学 新領域創成科学研究科 物質系専攻、[4]東京大学 物性研究所、[5] 名古屋工業大学、[6] 名工大オプトバイオテクロノロジー研究センター

P64　固体 NMR 解析に向けた β2 アドレナリン受容体の無細胞合成とナノディスク再構成

○杉下 友晃[1]、藤原 敏道[1]、松木 陽[1,2]
[1]大阪大学 蛋白質研究所、[2]大阪大学 量子情報・量子生命研究センター

P65Y　超高速 MAS160 kHz による完全プロトン化 7 回膜貫通タンパク質の高分解能 ^{1}H 検出固体 NMR 測定

○中嶋 悠人[1]、金澤 匠[1]、Grohe Kristof[2]、Wegner Sebastian[2]、木村 英昭[3]、井上 圭一[4,5]、川村 出[1]
[1] 横浜国立大学 大学院理工学府、[2]ブルカーバイオスピン、[3]ブルカージャパン、[4] 東京大学 新領域創成科学研究科 物質系専攻、[5]東京大学 物性研究所

P66　両親媒性自己組織化ペプチドの固体 NMR 構造解析

朝倉 哲郎[1]、矢口 敦也[1,2]、○内藤 晶[1,3]、Terry Gullion[4]、村岡 貴博[1]
[1]東京農工大学 大学院工学研究科、[2]横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、[3]横浜国立大学 大学院工学研究院、[4]ウエストバージニア大学 化学科

P67Y　高分解能固体 NMR を用いたゼオライト鋳型炭素の局所構造解析

○中本 丈滋[1]、松永 達弥[1]、Madi Arsakay[2,3]、宗 月都[4]、Lodney S. Roff[2,3]、石井 佳誉[1]
[1]東京科学大学 生命理工学院、[2]蔚山科学技術院（UNIST） 化学科、[3]基礎科学研究院（IBS） Center for Multidimensional Carbon Materials（CMCM）、[4]東京工業大学　生命理工学院

P68　固体 NMR によるポリプロピレンの疲労損傷進展に伴う非晶相構造および分子運動性変化の解析
○中山 超、榊原 圭太
国立研究開発法人産業技術総合研究所 機能化学研究部門

P69Y　固体 NMR を用いたシルクフィブロインフィルムの構造および分子運動性の評価
○山田 美空[1]、西村 文宏[2]、浅野 敦志[3]、鈴木 悠[4]
[1]福井大学 工学部 技術部、[2]福井大学 カーボンニュートラル推進本部、[3]防衛大学校 応用化学科、[4]福井大学 学術研究院工学系部門 生物応用化学講座

P70　溶媒量による MOF 構造異性体の選択的合成
○梶岡 ミカ、武田 和行、野田 泰斗
京都大学 大学院理学研究科

P71Y　常磁性金属を固溶した MOF におけるドメイン形成度の評価
○Henric Mezzomo[1]、栗原 拓也[1]、雨森 翔悟[1,2]、井田 朋智[1]、水野 元博[1,2]
[1] 金沢大学 大学院自然科学研究科、[2] 金沢大学 ナノマテリアル研究所

P72　高速磁場サイクリング NMR 緩和法によるトリフルオロメタンスルホン酸水和物の自己拡散係数測定
山口 真
一般社団法人 FC-Cubic

P73Y　磁気配向微結晶の MAS による化学シフトテンソルの配向決定
○田坪 歩輝、上出 友哉、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻

P74　Molecular Dynamics－Based Calculation of ^{13}C Chemical Shift Anisotropy Patterns for CO_2 Dynamics in Metal-Organic Framework Pores
○Liam Medlin, Yukihiko Ikigame, Koichi Nakamura, Munehiro Inukai
Graduate School of Technology, Industrial and Social Sciences, Tokushima University

P75Y　MAS 下における章動系断熱消磁のメカニズムの解明
○青柳 佑、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻

P76　パルス強磁場を用いた NMR 測定～基底一重項磁性体 $CsFeCl_3$ の ^{133}Cs NMR
○藤井 裕[1]、井原 慶彦[2]、鳴海 康雄[3]、萩原 政幸[3]、木田 孝則[3]、金道 浩一[4]、松尾 晶[4]、栗田 伸之[5]、田中 秀数[6]
[1]福井大学 遠赤外領域開発研究センター、[2] 北海道大学 大学院理学研究院 、[3] 大阪大学 大学院理学研究科附属先端強磁場科学研究センター、[4]東京大学 物性研究所、[5] 東京科学大学 理学院、[6] 東京科学大学 アントレプレナーシップ教育機構

P77　マジック角コイルスピニング用共振回路のプリンテッドエレクトロニクス技術による低コスト作製
○小野木 良将[1]、石川 裕也[1]、泉 小波[2]、鈴木 悠[3]、藤井 裕[1]
[1]福井大学 遠赤外領域開発研究センター、[2] 産業技術総合研究所 人間社会拡張研究部門、[3]福井大学 工学研究科

P78　^{19}F-DQ/SQ NMR を用いた強誘電性液晶における相秩序の観測
○出田 圭子[1]、西山 裕介[2]、松木囿 裕之[1]、菊池 裕嗣[3]、奥村 泰志[1]
[1]九州大学 先導物質化学研究所、[2]日本電子(株)、[3] 九大 GT センター

P79　トリプレット DNP による高結晶性ピコリンアミド試料の高偏極化

○東 孝憲[1]、香川 晃徳[1,2]、岩崎 栄次[1]、板橋 悠汰[1]、犬飼 宗弘[3]、根来 誠[1,2,4]
[1]大阪大学 量子情報・量子生命研究センター、[2] 大阪大学 ヒューマン・メタバース疾患研究拠点、[3]徳島大学 大学院社会産業理工学研究部、[4]量子科学技術研究開発機構 量子生命科学研究所

P80　固体 DNP-NMR を用いる加硫ゴム中の酸化的劣化部位の定量分析

○田中 真司[1]、堀江 美記[2]、北浦 健大[2]
[1] 産総研 材料・化学領域 化学プロセス研究部門、[2]住友ゴム工業株式会社 研究開発本部 先進技術・イノベーション研究センター

P81　NMR 検層による地層の亀裂開口量の原位置計測

○中島 善人、井川 怜欧
産業技術総合研究所 地圏資源環境研究部門

P82　気体収着に因るガラス転移の変化の TD-NMR 法による観察

○ 吉水 広明
名古屋工業大学 大学院工学専攻 ソフトマテリアルプログラム

P83　章動系 Jeener-Broekaert シーケンスによる双極子秩序の生成

○鈴木 康平、武田 和行
京都大学 大学院理学研究科 化学専攻

P84　資源循環研究における時系列メタ情報を付した NMR-DX 基盤の構築

○佐南谷 瑞[1]、菊地 淳[1,2,3]
[1]理化学研究所 環境資源科学研究センター、[2]横浜市立大学 大学院生命医科学研究科、[3]名古屋大学 大学院生命農学研究科